

Proceeding Series of the Brazilian Society of Computational and Applied Mathematics

Dengue em Ayacucho no Peru

Nelson Q. Cuba¹

Departamento de Matemática, UFJF, Minas Gerais, Brasil

Lucy T. Takahashi²

Departamento de Matemática, UFJF, Minas Gerais, Brasil

1 Introdução

A dengue encontra-se em mais de 100 países, pelo mundo. Neste trabalho, realizamos um levantamento histórico de como foi a propagação da dengue no Peru, no período de 2000 a 2018, e em especial no estado de Ayacucho cujo o primeiro caso ocorreu em 2013. Descrevemos a propagação da dengue na região norte de Ayacucho, utilizando a malha rodoviária que liga as cidades dessa região, por onde ocorre o transporte de mosquitos e humanos (Takahashi *et. al*, 2004). Além disso, propomos medidas de controle desta propagação e visualização de possíveis comportamentos para os próximos anos.

2 O Modelo

O modelo, em [2], descreve a propagação da dengue considerando compartimentos do tipo *SIR* para os humanos, (H_S^i, H_I^i, H_R^i) , e do tipo *SI* para os mosquitos, (M_S^i, M_I^i) , em cada cidade, $i, i = 1, \dots, n$, onde n é o número de cidades da rede, e é dado por:

$$\left\{ \begin{array}{l} \frac{dM_S^i}{dt} = \nu^i M^i \left(1 - \frac{M^i}{k^i} \right) - \mu_M^i M_S^i - \beta^i M_S^i H_I^i - \sum_{j \neq i} f_{ji} \beta^i M_S^i H_I^j \\ \frac{dM_I^i}{dt} = -\mu_M^i M_I^i + \beta^i M_S^i H_I^i + \sum_{j \neq i} f_{ji} \beta^i M_S^i H_I^j + \sum_{j=1}^n \tau_{ji} M_I^j - \sum_{j=1}^n \tau_{ij} M_I^i \\ \frac{dH_S^i}{dt} = \mu_H (H^i - H_S^i) - \lambda^i H_S^i M_I^i - \sum_{j \neq i} f_{ij} \lambda^j H_S^i M_I^j \\ \frac{dH_I^i}{dt} = -(\mu_H + \alpha) H_I^i + \lambda^i H_S^i M_I^i + \sum_{j \neq i} f_{ij} \lambda^j H_S^i M_I^j \end{array} \right. \quad (1)$$

onde k é a capacidade de suporte e ν, β, μ_M são as taxas de oviposição, de contágio e de mortalidade dos mosquitos, respectivamente; e λ, α, μ_H são as taxas de contágio, de

¹nelcuba.mat@gmail.com

²ltiemi@gmail.com

recuperação e de mortalidade dos humanos, respetivamente. τ_{ij} e f_{ij} representam as taxas de transporte dos mosquitos e dos humanos da cidade i para a cidade j , respetivamente.

Para a análise qualitativa do modelo consideramos as todas as n cidades como uma só. E adimensionalizamos o sistema usando as seguintes unidades: ν^{-1} para o tempo, H para a população de humanos e k para a população de mosquitos, os quais nos dão um sistema com cinco novos parâmetros adimensionais: $\mu_H^* = \frac{\mu_H}{\nu}$, $\mu_M^* = \frac{\mu_M}{\nu}$, $\beta^* = \frac{\beta H}{\nu}$, $\lambda^* = \frac{\lambda k}{\nu}$ e $\alpha^* = \frac{\alpha}{\nu}$. Daí, obtemos três pontos de equilíbrio: $P_0 = (0, 0, 1, 0)$, $P_1 = (1 - \mu_M^*, 0, 1, 0)$ e $P_2 = (M_S^o, M_I^o, H_S^o, H_I^o)$, onde $H_S^o = \frac{1}{\mu_H^*} \{ \mu_H^* - (\mu_H^* + \alpha) H_I^o \}$, $M_I^o = \left\{ \frac{1 - \mu_M^*}{\mu_M^* + \beta H_I^o} \right\} \beta H_I^o$ e $M_S^o = 1 - \mu_M^* - M_I^o$. E, por meio da matriz da próxima geração [1], obtemos o número básico de reprodutibilidade basal, $\mathcal{R}_0 = \frac{\lambda^*}{\mu_M^*} \left(\frac{1 - \mu_M^*}{\mu_H^* + \alpha^*} \right) \beta^*$.

2.1 Simulações

Nas simulações (Runge-Kutta de 4ª ordem) os parâmetros são de [2]. Na Figura 1 apresentamos o comportamento das subpopulações M_I , H_I e H_R , durante 120 dias, em cada uma das 7 cidades escolhidas. Nas simulações posteriores utilizamos dados climáticos da região de Ayacucho, para definir alguns dos parâmetros.

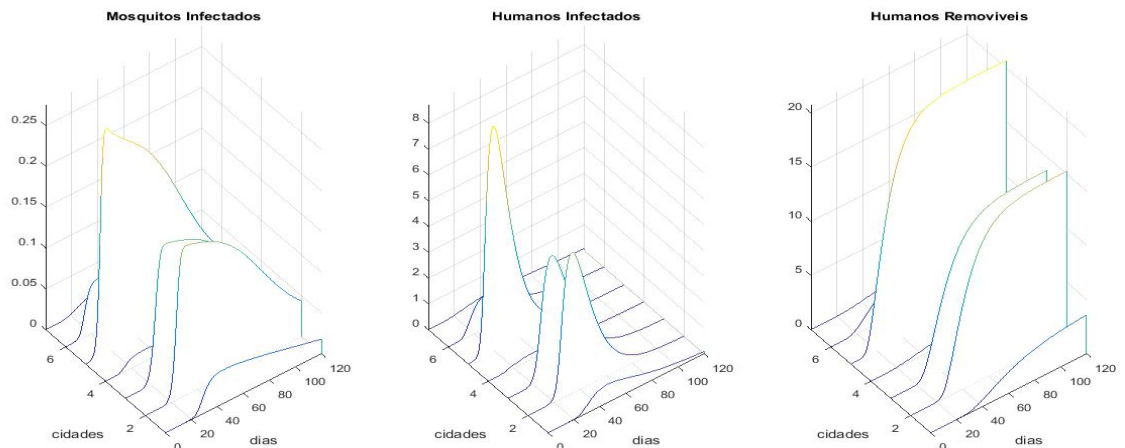


Figura 1: Dinâmica de M_I , H_I e H_R em cada uma das 7 cidades durante 120 dias após a introdução de 2 pessoas infectadas na cidade 5. A dengue espalha-se pela rede causando epidemias.

Agradecimentos

À Capes pelo apoio financeiro.

Referências

- [1] F. Brauer and C. C. Chavez. *Mathematical Models in Population Biology and Epidemiology*, 2ª edição. Springer, New York, 2012.
- [2] L.T. Takahashi, W. C. Ferreira Jr. e L. A. D'Afonseca. Propagação da Dengue entre Cidades, *Biomatematica*, 14: 1-18, 2004.